

XhoI

1 CTCGAGGAAATGTTTGTGTTGTATCTACAAACTTCAAAATATCTTTGTTTATTGTCTCTTCGATGGATT
 71 TTATTTTCATCTTCGCGATTGATTCTTCCTTGGTTACCGTAATTTATAAATAAACACAATAAAAAATTAAG
 141 TTTAAAAACAATTTTATTAAACCCATCGTCTTGATTACTATCATCCAGTAGGAAATTAGAACTAGATT
 399 **ValTrpArgArgSerLysSerAspAspTrpTyrSerIleLeuValLeuAsn**
 211 ATAATCTATCGGTATAGAAATATGTTTCCAAATAAATTAGTTAAATTTTTCAGCTTTTCTTTATCATCT
 381 **TyrAspIleProIleSerIleHisLysTrpPheLeuAsnThrLeuAsnLysAlaLysGluLysAspAspI**
 HindIII

281 ATAAAGCTTAAAAGTGTTTCATAACAAGATTTATATCAAACCTTTCTTGGATAATTGGAACCTCTTTTAA
 357 **IlePheSerLeuLeuThrGluTyrValLeuAsnIleAspPheLysGluGlnIleIleProValArgLysIle**
 351 TTATAGATAAAATTTTCACCCCTATATTCTGGGGTTATCATATTTGTTAGATGTTTAAATAAATTTTCTCTC
 334 **IleSerLeuAsnGluGlyArgTyrGluProThrIleMetAsnThrLeuHisLysIlePheLysArgGlu**
 421 CAACACTTCGTGTTTGGTTTGGGGTGCCGGAAGCATCATTAAAGAACGGGATATCGTTTTTCATTATTGGT
 311 **LeuValGluHisLysThrGlnProAlaProLeuMetMetLeuSerArgSerIleThrLysMetIleProP**
 491 GGAAATCTTGATGTATATTTTAAATTTAAACTATTCTCATCAACAGCTGTTACGCGCTTTGATTGTCTCTT
 287 **roPheArgSerThrTyrLysLeuAsnLeuSerAsnGluAspValAlaThrValArgLysSerGlnGlyLy**
 561 TATTTGATGGAGAGTTTATTTTGTATAAAATTTTAAATCCATTTTGATTTTTTGGTATACCAAATGAATC
 264 **sAsnSerProSerAsnIleLysSerLeuIleLysPheGlyAsnGlnAsnLysProIleGlyPheSerAsp**
 631 GGTATCACTACTTTCACTACTGGTAATATTTGAGGATTCTTCGGATGATGAACTATATTTGTAGAAACA
 241 **ThrAspSerSerGluSerSerThrIleAsnSerSerGluGluSerSerSerValIleAsnThrSerValS**
 701 GAATCACTTATTCTCCATGAGTTTGATATTTGATCTAAATATTTTTCATGATGTGTATTCTCTCTGATT
 217 **erAspSerIleArgTrpSerAsnSerIleGlnAspLeuTyrLysGluHisHisGlnIleGluGlySerGl**
 771 CTTCAATGAATCTCCACTATCAGAATTATATTCCTTTTACTATTTTATATTTATTTTAAATAATTGA
 194 **uGluSerSerAspGlySerAspSerAsnTyrGluLysLysSerAsnLysTyrLysAsnLysIleIleSer**
 841 TTGAACAGATTTTAAATAGGGGCTTGGTGCAAGTCTGTATGACAGCGAACAACCGTACATAAAACTCA
 171 **GlnValSerLysLeuIleProAlaGlnHisLeuAspThrHisCysArgValPheThrCysLeuPheGluP**
 911 GGATATGATACATTTAAAGAAGCAAGTATATCCCTACATCGGAGGGTGGGTGGAAAAAGAGGTACAACAT
 147 **roTyrSerValAsnLeuSerAlaLeuIleAspArgCysArgLeuThrProProPheLeuProValValAs**
 981 CCAATATAATATCACAACCCATTAATATTAGATCAGTATCCGTTGTATATATTTGAGCGGCTGTATTAGT
 124 **pLeuIleIleAspCysGlyMetLeuIleLeuAspThrAspThrThrTyrIleGlnAlaAlaThrAsnThr**
 1051 ATGATAAAGATTAGCACAAACATCATCAGCTTCCATATCAGATACATTAACATATGGAAAACCCAAATGG
 101 **HisTyrLeuAsnAlaCysValAspAspAlaGluMetAspSerValAsnValTyrProPheGlyLeuHisA**
 1121 CGTATTAAATTAACACATAATTTATAACATAACTTAGGAGTATTTACAAGTGAGCTCCATCGTGCTGATA
 77 **rgIleLeuAsnValCysLeuLysTyrCysLeuLysProThrAsnValLeuSerSerTrpArgAlaSerLe**
 1191 AAATATTTATAGGTTACATTTTTCCTAATTTTGTAAAGTTTPTAAATTTCCCCACATACATTATCCTT
 54 **uIleAsnIleProGluCysLysGluLeuLysLysTyrThrLysLeuIleGluGlyCysValAsnAspLys**
 1261 AATGGAATTTCTCCAAGTCTTCCAGATCTCTCTTGATGACACATAGTTTGTGTGGCGATACGTTTGCTCC
 31 **IleSerAsnArgTrpThrLysTrpIleArgArgSerSerValTyrAsnThrHisArgTyrThrGlnGluV**
 <-- ORF1 BgIII

1331 ACGTTTAAACATGTCCATCACCATTATATACCAGATCTGAAACAAAAATGGAAAAATAAGATCTTTTTTGG
 7 **alAsnLeuMetAspMetValMet**
 1401 AGTAATTTAAGTAAAGAAAAAAACATTCAGCTGTTACAGTGGGACTATCCGTTTGAGTATCATTCTTA
 1471 TACAAAATTTTCCATCAACGTATACATTACATCCATAAGTCAATTGCGATTGGTGTACAATACCAGGT
 SpeI

1541 GGTGTTGCTATCGCATCGTGTTFAACTAGTCTACGACTATAAGCATATTTCAAAGTCCAAAAAGACCCA
 SpeI

1611 TTTTAATAAAATACCAAACAGAACCTTTTCGACAAACTAAATGAATAAACTAGTTTTTAAGTATTAAT

ORF2 --->

1681 ATAACCTTTAACTAAATTAATTAATAATGATTAATTTAAAAACCGAAATACAAATATTTTTTAGTCAAG
 15 ▶ MetIleAsnLeuLysThrGluIleGlnIlePhePheSerGlnA
 1751 ATTTTATGAAATCAATCAAAATCACCACAATTATGCAAAATGAACCCACCTACCAACGTCATCAAAACTAA
 15 ▶ spPheMetLysSerIleLysIleThrThrIleMetGlnMetAsnProProThrAsnValIleLysThrAs
 1821 TTTAGTCTATAAAAAGAAATTGTTAACATTTAGTTTAAATTTAACTTTTATTTCTTAAATTTTTATTA
 38 ▶ nLeuValTyrLysLysLysLeuLeuThrPheSerLeuAsnLeuAsnPheTyrPheLeuLysPheLeuLeu
 1891 TTTTGCTTAGTTTTTAAGCGGATGGCGTGTTCGTCCTAAACTGAATTTAAGATAACCAACCATCCAT
 62 ▶ PheCysLeuValPheLysAlaMetAlaCysPheArgProLysThrGluPheLysIleThrAsnHisProS
 1961 CTCAGATTATAAATAACGAAGAAAATATAAACTCTGAAGAAGGAAAATTTATATCTGGTCGTGCTGTTTT
 85 ▶ erGlnIleIleAsnAsnGluGluAsnIleAsnSerGluGluGlyLysPheIleSerGlyArgAlaValle

HindIII

2031 GGAAGATCAAAGCTTCGTGATGTGATAAGTATGCTAACACCCCTTTTCAACTAGCTTGAAAACTCTTTT
 108 ▶ uGluAspGlnLysLeuArgAspValIleSerMetLeuThrProPheSerThrSerLeuLysAsnSerPhe

SpeI

2101 ATAGTTTTTAGTGACTATGGGATGATGATCCATACTAGTATTTGTGGAGAACAAATTTACATTCCTATTT
 132 ▶ IleValPheSerAspTyrGlyMetMetIleHisThrSerIleCysGlyGluGlnIleTyrIleProIleS
 2171 CTA AAAACCAATTTTCTTCTTATTTTGGGGATATAGCGACCTGCGGTATTTTGGCAAATGTTGATAG
 155 ▶ erLysAsnGlnPheSerSerTyrPheTrpGlyTyrSerAspProAlaValPheLeuAlaAsnValAspSe
 2241 TAAAAGGGGATTGTTGGATGTTTTTAAATCAACAAGTAAATGTCTAAAGTATTCTTTGAAATAAGTAAC
 178 ▶ rLysArgGlyLeuLeuAspValPheLysSerThrSerLysMetSerLysValPhePheGluIleSerAsn
 2311 CCTTCCCAACATAGAATGTTAAACAAGTTATTTTACTATAAGTGATAGTAATATAAAATGCTCTACAC
 202 ▶ ProSerGlnHisArgMetLeuLysGlnValIlePheThrIleSerAspSerAsnIleLysCysSerThrL
 2381 TTCTAAAGCTGAATTTAGTAAGTATTGTATTATGCTTCCATCAAGAAATCCGGACTTTAGTCTTGAAGT
 225 ▶ euLeuLysAlaGluPheSerAsnTyrCysIleMetLeuProSerArgAsnProAspPheSerLeuGluLe
 2451 TAATAATATCAATTAAATAAAATACTCGAACTAAACAAAAAACAAATTCATTGTTAAATTTGAATCT
 248 ▶ uAsnLysTyrGlnLeuAsnLysIleLeuGluLeuAsnLysLysGlnAsnSerLeuLeuLysPheGluSer
 2521 AATGAAAATAATGTTGTGATTTTCATCTGAAAGTGGAAGTGTTCATTGAATTTGGATAGAAGCGATTCTG
 272 ▶ AsnGluAsnAsnValValIleSerSerGluSerGlySerValSerLeuAsnLeuAspArgSerAspSerG
 2591 AAGGAGAAGATAGCGCATCGATTTTAAATCTGCTACAAAAAAGTAAATCCTTATCTAGTTAAACACTC
 295 ▶ luGlyGluAspSerAlaSerIleLeuLysSerAlaThrLysLysValAsnProTyrLeuValLysHisSe
 2661 AGAAAATTTCAAACGTTTAAATTTTCGTGGATGATTATACCAATTTTTTTCTCTTTTGA AAAA ACTA
 318 ▶ rGluAsnPheLysArgLeuLysPheArgTrpMetIleIleProIlePhePheProLeuLeuLysLysLeu

HindIII

2731 AAATAACAAATACAACAGTATCGATAAATTTCTTTTTTACTCCAACCTACCAATCCCATGATAAGCTTGA
 342 ▶ LysLeuThrAsnThrThrValSerIleAsnPhePhePheThrProThrThrAsnProMetIleSerLeuT
 2801 CGTCAAGTAAACCAATTGGAATTATACTGTTTTTCTTTTGTACCAATGAATTGCAACATAAGAGCCTGAA
 365 ▶ hrSerSerLysProIleGlyIleIleLeuPhePhePheCysThrAsnGluLeuGlnHisLysSerLeuLy
 2871 GCGCCAGCATCTCCATCAGATGAAGAAAAGCCACCAAAAATCCAAATGTGGATTTTTTAGTCAACATTTT
 388 ▶ sArgProAlaSerProSerAspGluGluLysProProLysIleGlnCysGlyPhePheSerGlnHisPhe
 2941 GTAAATACGGATGTTAATATTAAACCCTAATTAAATGACGTAAATGATAAATTGTATTTAAAGAGAAGT
 412 ▶ ValAsnThrAspValAsnIleLysPro...

HindIII

ORF3 --->

3011 TTTTCCAAAAGACAAGCTTTTATTAATAATGTCACTAGAAGATAATAATGTACAATCGTTTGATCAACT
 1 ▶ MetSerLeuGluAspAsnAsnValGlnSerPheAspGlnLe
 3081 GGAACCTCCTATTACATCATTTTCTATAATAAATGCTCTGGATCGAGACCTGGATGTCTACCATGTATG
 14 ▶ uGluProProIleThrSerPheSerIleIleAsnCysSerGlySerArgProGlyCysLeuProCysMet

3151 TATGTAACACAAAATCACTTCTATGTATTGGACTTCAAGCTGGAATTTTAACAGCCTTAATTATATTAA
 38 ▶ TyrValThrThrLysSerLeuLeuCysIleGlyLeuGlnAlaGlyIleLeuThrAlaLeuIleIleLeuI
 3221 TTCAAATATTAACTGAAAGTTTCGTATGTTCTATAATTCTTATAGCAACTGTGTTAATATTTACGCTATC
 61 ▶ leGlnIleLeuThrGluSerPheValCysSerIleIleLeuIleAlaThrValLeuIlePheThrLeuSe
 3291 AAAAATATCTATTTCTACTTCTGAAAAAATTTCTTCTATTGTAGAAATTAGTCAGTCGATATTTGTAACA
 84 ▶ rLysIleSerIleSerThrSerGluLysIleSerSerIleCysArgIleSerGlnSerIlePheValThr
 3361 ATAGCCGCCTTTTGTGGGGGTTTGATGGATATTAAATCCAATAGCAATTAAATAATTTCTTATATTAA
 108 ▶ IleAlaAlaPheCysTrpGlyPheAspTrpIleLeuAsnProIleAlaIleLysIleIleLeuIleLeuS
 3431 GTTTATCATTTTTAACTATTGTACAATAAAAATACATATATTTTATTTGATAAGTATATTAAATGGTTC
 131 ▶ erLeuSerPheLeuThrIleCysThrIleLysIleHisIlePheTyrLeuIleSerIleLeuAsnGlySe
 3501 TGGATCTCATGTAAAAGGATCGCTAGTAACAATATTGTTTGGAACTATACTAGGTGTATTTGGAACCTCTT
 154 ▶ rGlySerHisValLysGlySerLeuValThrIleLeuPheGlyThrIleLeuGlyValPheGlyThrLeu
 3571 AATGTTATTAAATAGAAATTTTAAATGGATTGGTATAGCACTTTGTATAATTTTATCTAACACCAACT
 178 ▶ AsnValIleLysIleGluIleLeuIleGlyPheGlyIleAlaLeuCysIleIleLeuSerAsnThrAsnP
 SpeI BglII
 3641 TTGGACTAGTAATTAGAGATACATGCTATTATCGTATAGGAAGATATAAAATTAATGAGAACCTTTTACAGA
 201 ▶ heGlyLeuValIleArgAspThrCysTyrTyrArgIleGlyArgTyrLysLeuMetArgThrPheThrAs
 3711 TCTTGGACATGGAGCGTCTTACTCAATAGAGGAAGATGAAACCTCTGATTACAGTGAAATACATGAAAGA
 224 ▶ pLeuGlyHisGlyAlaSerTyrSerIleGluGluAspGluThrSerAspTyrSerGluIleHisGluArg
 3781 AAAATTAGTAGTTTTCAACTAATTTATAAATATCCAAGTATGATAATAATTTCTATTTTAGGATTTATGT
 248 ▶ LysIleSerSerPheGlnLeuIleTyrLysTyrProSerMetIleIleIleSerIleLeuGlyPheMetL
 3851 TAACTATAGCTATTTGGGGATTAAATGTATACCTTAAAAAATTTAAATTTTCATCTCTCTTTTACACTTGT
 271 ▶ euThrIleAlaIleTrpGlyLeuAsnValTyrLeuLysAsnLeuLysPheHisSerProPheThrLeuVa
 3921 TATTAGCTTTTATTGTTGGTCATTGTTTAGCATTCTTAGTTGAACCGTTTAACTATAAGATTAAATGTATA
 294 ▶ lIleSerPheIleValGlyHisCysLeuAlaPheLeuValGluProPheAsnTyrLysIleLysCysIle
 3991 TCACGAATTATACTAATTATTGTCTTTTACTAGAATTAATGTCTTCACTTATTTCTGTACTAGGATTAA
 318 ▶ SerArgIleIleLeuIleIleCysLeuLeuLeuGluLeuIleAlaSerLeuIleSerValLeuGlyLeuA
 4061 ATTTTGGATCACCATTAATCTTGACAACAACCTACTACAATTTTCGTTAGTTTCACCTTTTGATATACGAAA
 341 ▶ snPheGlySerProLeuIleLeuThrThrThrThrIleSerLeuValSerLeuLeuTyrIleArgLy
 4131 ACAAACACAAGGTGTAAACCGTCTTGCTGCCACATATATTTACGAGCCCTAATTATTGGTTTGTATATG
 364 ▶ sGlnThrGlnGlyValAsnArgLeuAlaAlaThrTyrIleSerArgAlaLeuIleIleGlyLeuTyrMet
 4201 ACTGTTGGAATTTGTTACATTTTATTAAACAATAAATTAATTTTAACTATATTACGGTTGTGTG
 388 ▶ ThrValGlyIleCysTyrIlePheIleLysThrIleAsn...
 EcoRI
 4271 TGTTTTAAGTTTTTAAATAAAGCAATATTTGCAATTCACATTTATCAAAAACATTAAACCCCAACACAAAA
 ORF4 --->
 4341 AAATTTCTATAATCATTAAAGGTAATAAGTCAAAATGAGTTTAAAAATTTTATCTAATATATGTAATTA
 1 ▶ MetSerPheLysAsnPheTyrLeuIleTyrValIleI
 4411 TAATTTTTTATAAACTCGATAATAACTTCGGCATCTACATCCAAACCTTCAACACCTACCATAATTCCAAC
 13 ▶ leIlePheIleAsnSerIleIleThrSerAlaSerThrSerLysProSerThrProThrIleIleProTh
 4481 TTCAGCAAATGAATCACCTGCTTCCATAGATACAACATAACAAAACCTATATCTACAGAGGCAAATAAT
 36 ▶ rSerAlaAsnGluSerProAlaSerIleAspThrThrIleThrLysProIleSerThrGluAlaAsnAsn
 4551 TTAAAATCAGTAAGTACCTCAATTAAACCACCTAAAAAATTAATAAATCTAAATCTAAATGTA
 60 ▶ LeuLysSerValSerThrSerIleLysProProLysAsnLeuLysLysLysLeuLeuLysSerLysCysA
 4621 GAGATAATGTTATTATAGGCCATATTTAGTCAATTAGAAATTAAGTGTACTATACTAAAAAGCAAAA
 83 ▶ rgAspAsnValIleTyrArgProTyrPheSerGlnLeuGluIleAsnCysThrIleThrLysLysGlnAs
 4691 TTTAAGTAATCCTTTAATTGAGTTATGGTTTAAAGAACTTTCTACATATAATAAAACCAATGAAAATGTT
 106 ▶ nLeuSerAsnProLeuIleGluLeuTrpPheLysGluLeuSerThrTyrAsnLysThrAsnGluAsnVal
 4761 GAAAGTTTAAAAACAGATATATCAAAAAATATTTTATTATTTTCGACAAAAATAATAGTGATAACTTTT
 130 ▶ GluSerLeuLysThrAspIleSerLysAsnIleLeuLeuPheSerThrLysAsnAsnSerAspAsnPheT

4831 ATAATGATTCTTTTATTAGGTATACAAAATCAACCAGTAAATTATAAACTTTACGGTTCCCAATTTTATGA
 153 ▶ yrAsnAspPheLeuLeuGlyIleGlnAsnGlnProValAsnTyrLysLeuTyrGlySerGlnPheTyrAs
 4901 TAATGGAAACATATTACTAAATATAAAGTCGGTTGACTTTAAACCTCTGGAATATATACTTGGAAACTA
 176 ▶ pAsnGlyAsnIleLeuLeuAsnIleLysSerValAspPheLysThrSerGlyIleTyrThrTrpLysLeu
 4971 TATAATTCAAATAATGAAAGTATTTTGGAACTTTTAAATTCAGTATATGCATATCATTACCAAATG
 200 ▶ TyrAsnSerAsnAsnGluSerIlePheGluThrPheLysIleGlnValTyrAlaTyrHisSerProAsnV
 5041 TAAACTTAAATCAAACCCCAAGTTTATATAATGAAAACCTACAGCGCTATTTGTACAATAGCAAATTACTT
 223 ▶ alAsnLeuLysSerAsnProSerLeuTyrAsnGluAsnTyrSerAlaIleCysThrIleAlaAsnTyrPh
 5111 TCCATTGGAATCTACGGAAATATTTTGGTTTAAACGATGGACAACCTATTGATAAAAAATATATAGATGAA
 246 ▶ eProLeuGluSerThrGluIlePheTrpPheAsnAspGlyGlnProIleAspLysLysTyrIleAspGlu
 5181 ACTTATAGTGTATGGATTGACGGTCTTATAACACGCACTTCAATATTATCCCTTCCCTTTTCCGAAGCCA
 270 ▶ ThrTyrSerValTrpIleAspGlyLeuIleThrArgThrSerIleLeuSerLeuProPheSerGluAlaM
 5251 TGGAAAGCCCCCAATTGCGATGTAATGTTGAATGGTATAAAAAATCAAAGGCCTCAAAAAAATTTTC
 293 ▶ etGluSerProProAsnLeuArgCysAsnValGluTrpTyrLysAsnSerLysAlaSerLysLysPheSe
 5321 AAATACCGTTATTCCAAAAGTTTACTATAAACCTTTTATATCTATAAAATTTGATAATGGTTTAGCTATT
 316 ▶ rAsnThrValIleProLysValTyrTyrLysProPheIleSerIleLysPheAspAsnGlyLeuAlaIle
 5391 TGTGATGCTAAATGTGTTTCCCGTGAAAATAATAAATTACAATGGTTAGTTAAAGATATACCTATAAATG
 340 ▶ CysAspAlaLysCysValSerArgGluAsnAsnLysLeuGlnTrpLeuValLysAspIleProIleAsnG
 5461 GTGATGATATTATAAGCGGCCCCCTGTTTAAACCACCCTGGTTTGGTCAATATTCAAATAAAATAGATAT
 363 ▶ lyAspAspIleIleSerGlyProCysLeuAsnHisProGlyLeuValAsnIleGlnAsnLysIleAspIl
 5531 ATCGGATTATGATGAACCTGTTACCTATAAATGTTCAATTATTGGTTATCCAATAATTTTCCCAACTTT
 386 ▶ eSerAspTyrAspGluProValThrTyrLysCysSerIleIleGlyTyrProIleIlePheProAsnPhe
 5601 TATGATGAAAAGGTGTTTGATGCATCGGATGAAAATGTTAGTAAATCGATGTTAATAAGTATTACCACAA
 410 ▶ TyrAspGluLysValPheAspAlaSerAspGluAsnValSerLysSerMetLeuIleSerIleThrThrI
 5671 TAATTGGTGGAGCCATTTTGTATAGTATTGATTTTATAACAGCTTTATGTTTTTATTGTTCAAAAAA
 433 ▶ leIleGlyGlyAlaIlePheValIleValLeuIlePheIleThrAlaLeuCysPheTyrCysSerLysAs
 BgIII
 5741 TAATAAGATCTAATATCAATATTTACGTAAATGGATTATATAATGTTATATTCGTGTTATTATGATTTAT
 456 ▶ nAsnLysIle...
 ORF5 --->
 5811 AAGTTCATCAAATTTAAAATTTGTATAGTATTAAGATTTTAAATAGGGGTATCGTTTAATATGGCTCAG
 1 ▶ MetAlaGln
 5881 TTAGTTTTAACTGATATTCCCCTCGAAGATGTGGAAAATAAAAAATACTTCATCCGACGAAGAAACAATA
 4 ▶ LeuValLeuThrAspIleProLeuGluAspValGluAsnLysAsnThrSerSerAspGluGluThrThrA
 5951 ACTTAAACCAGAAAAATCAACATGTCAATGTTTATGTGTACCCTTGGATTTTTTGCAGCTGGAATTTT
 27 ▶ snLeuAsnGlnLysLysSerThrCysGlnCysLeuCysValThrLeuGlyPhePheAlaAlaGlyIleLe
 6021 ATTAACCATAGCTGCAATAATTTTACTTTTATTTTACAGTACCATTAGAAATGCTTGGATCGATTAAT
 50 ▶ uLeuThrIleAlaAlaIleIlePheThrPheIlePheThrValProLeuGluMetLeuGlySerIleAsn
 6091 TGTCTCCATCTACATTTGGTATTGATAATGTTTGTATCGAACCAATAAAAAATCTATTAATTCCTATT
 74 ▶ CysProProSerThrPheGlyIleAspAsnValCysIleGluProIleLysLysSerIleAsnSerTyrS
 Scal
 6161 CAGAATTATCTAAAATATGTTATGATAGATTGTCAAATCCGATAAATCAGAGTACT
 97 ▶ erGluLeuSerLysIleCysTyrAspArgLeuSerAsnProIleAsnGlnSerThr

(FIG. 1 end)

5118

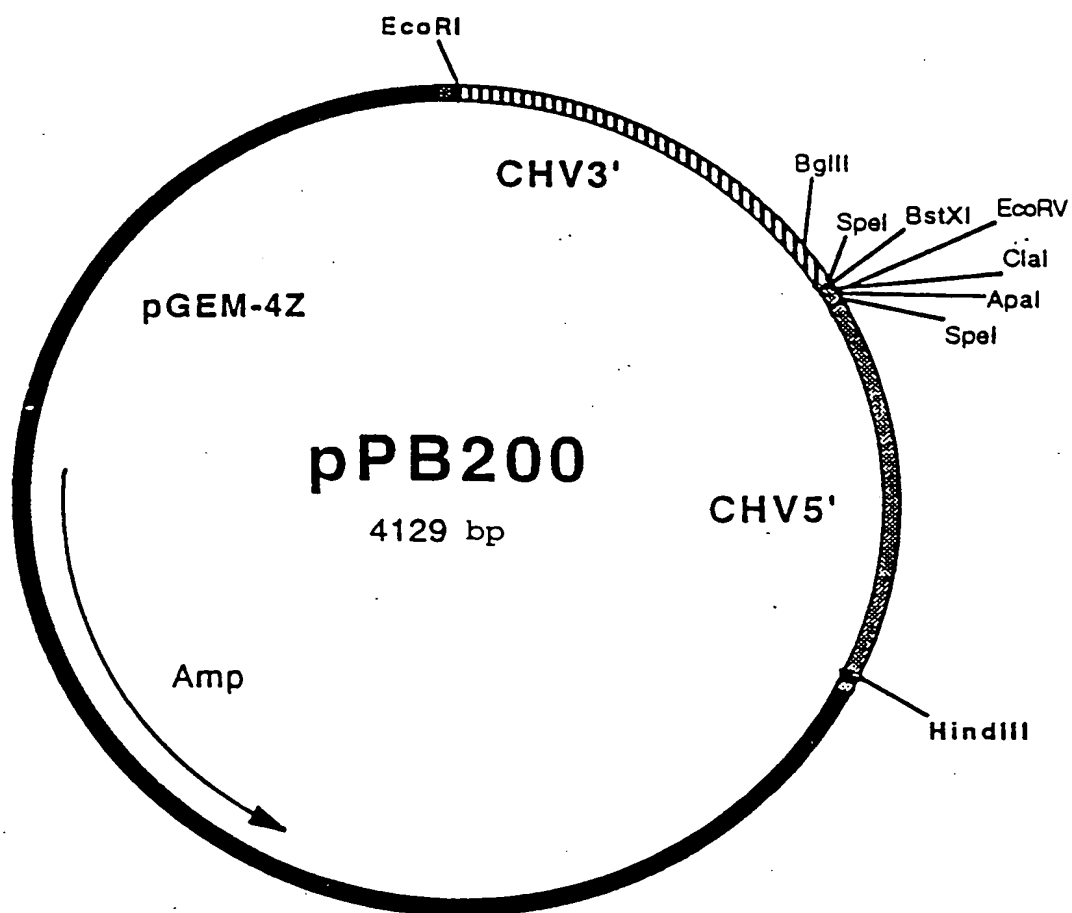


FIG. 2

6/18

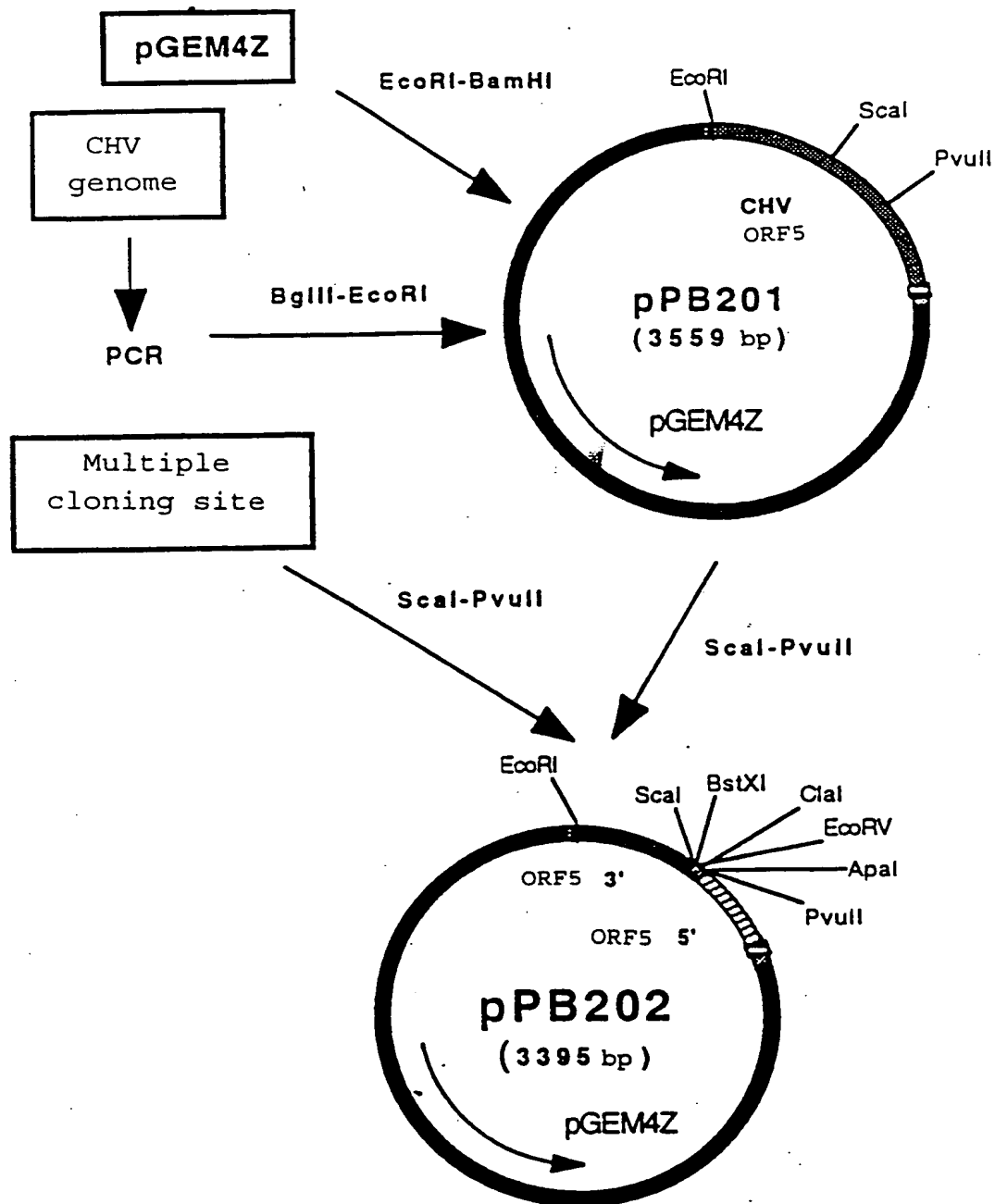


FIG. 3

7/18

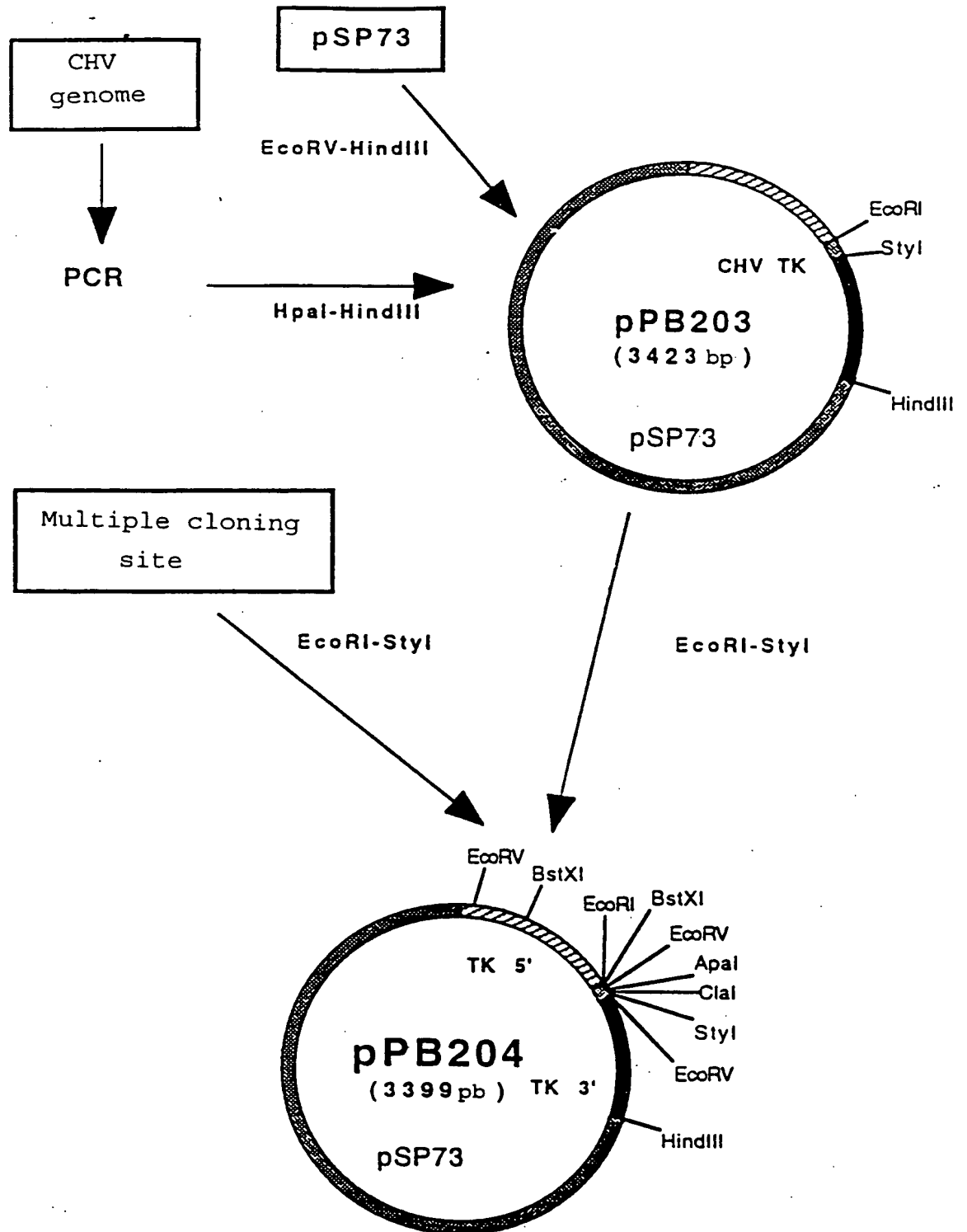


FIG. 4

8 / 18

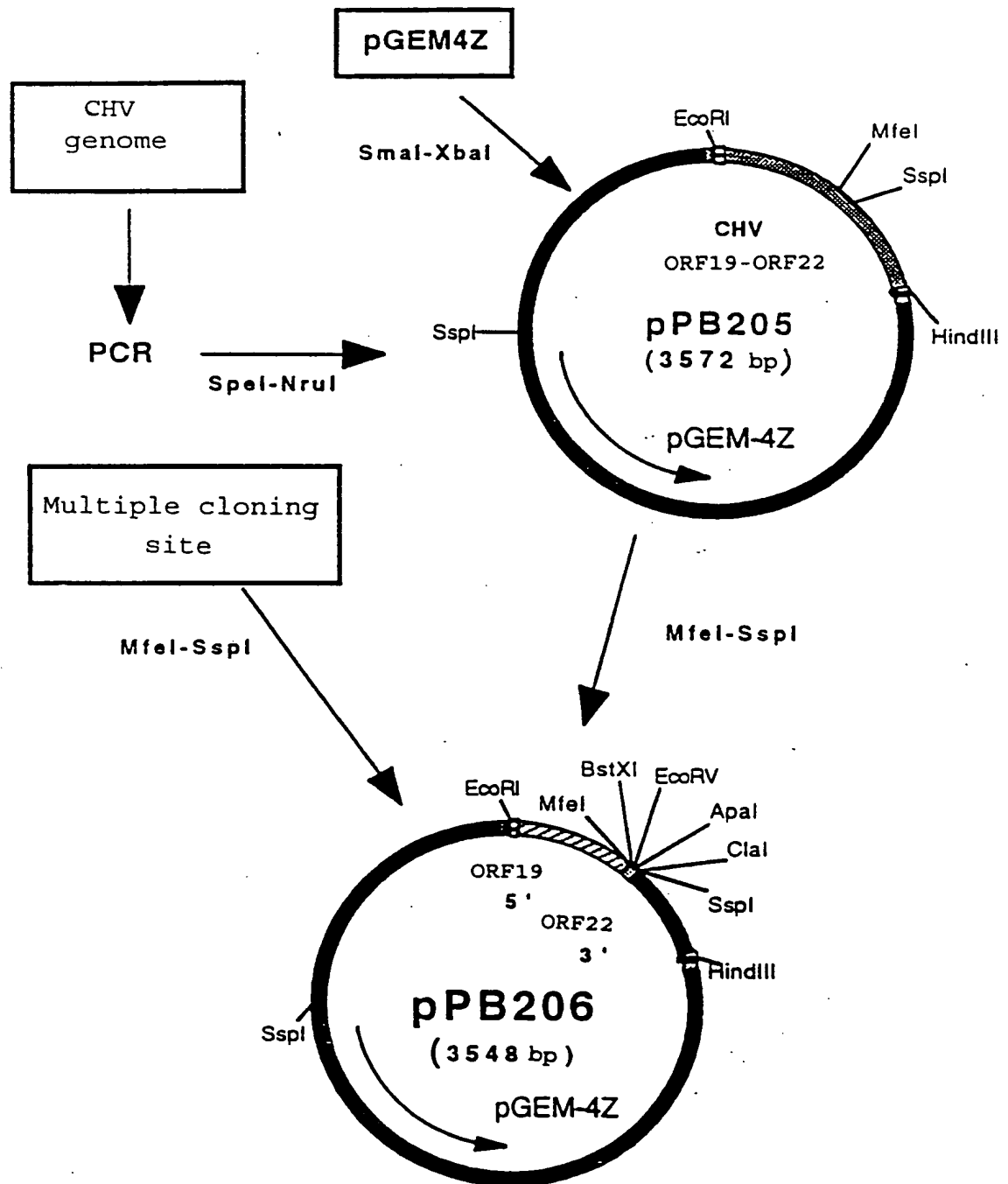


FIG. 5

9118

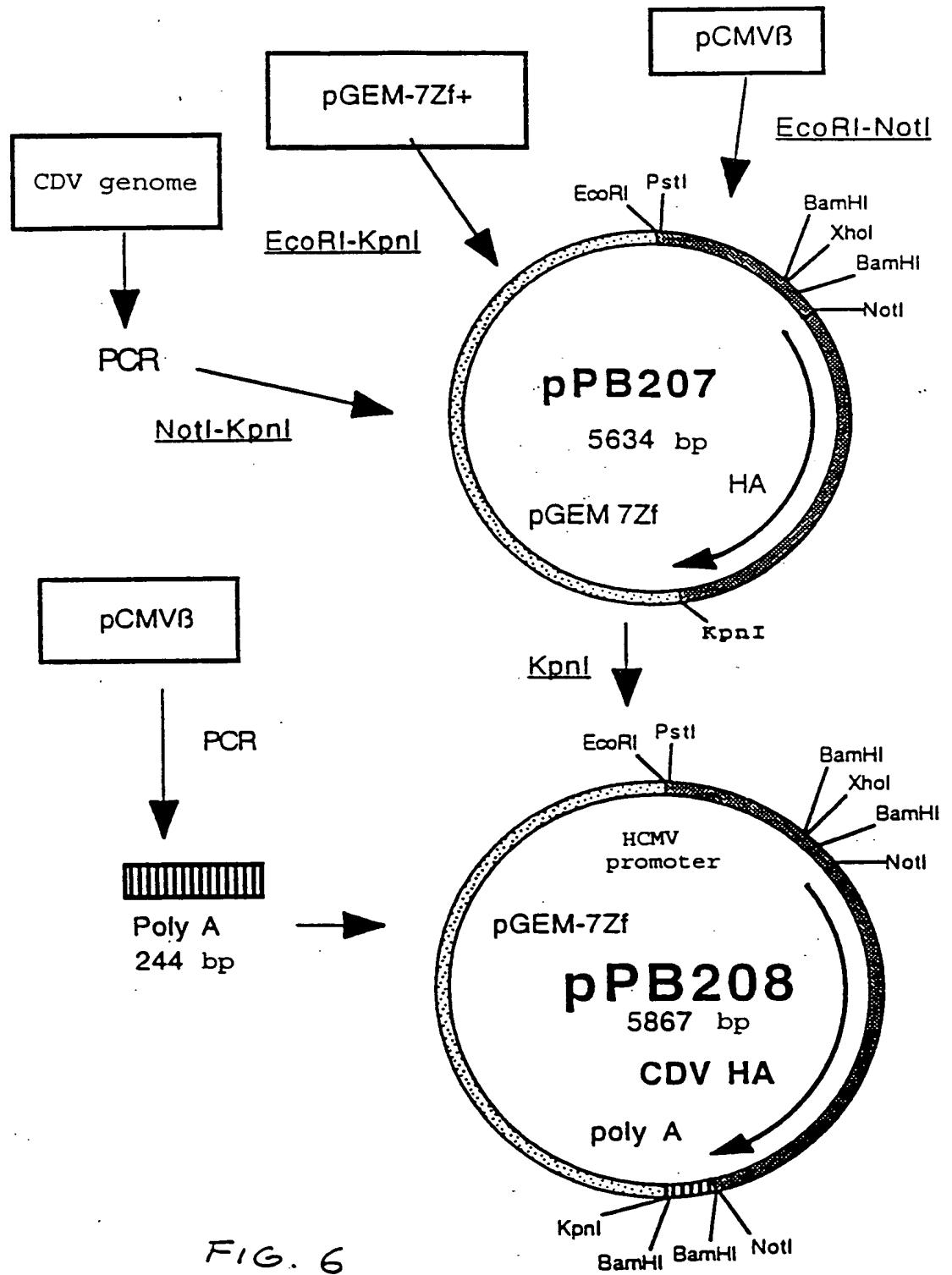


FIG. 6

10/18

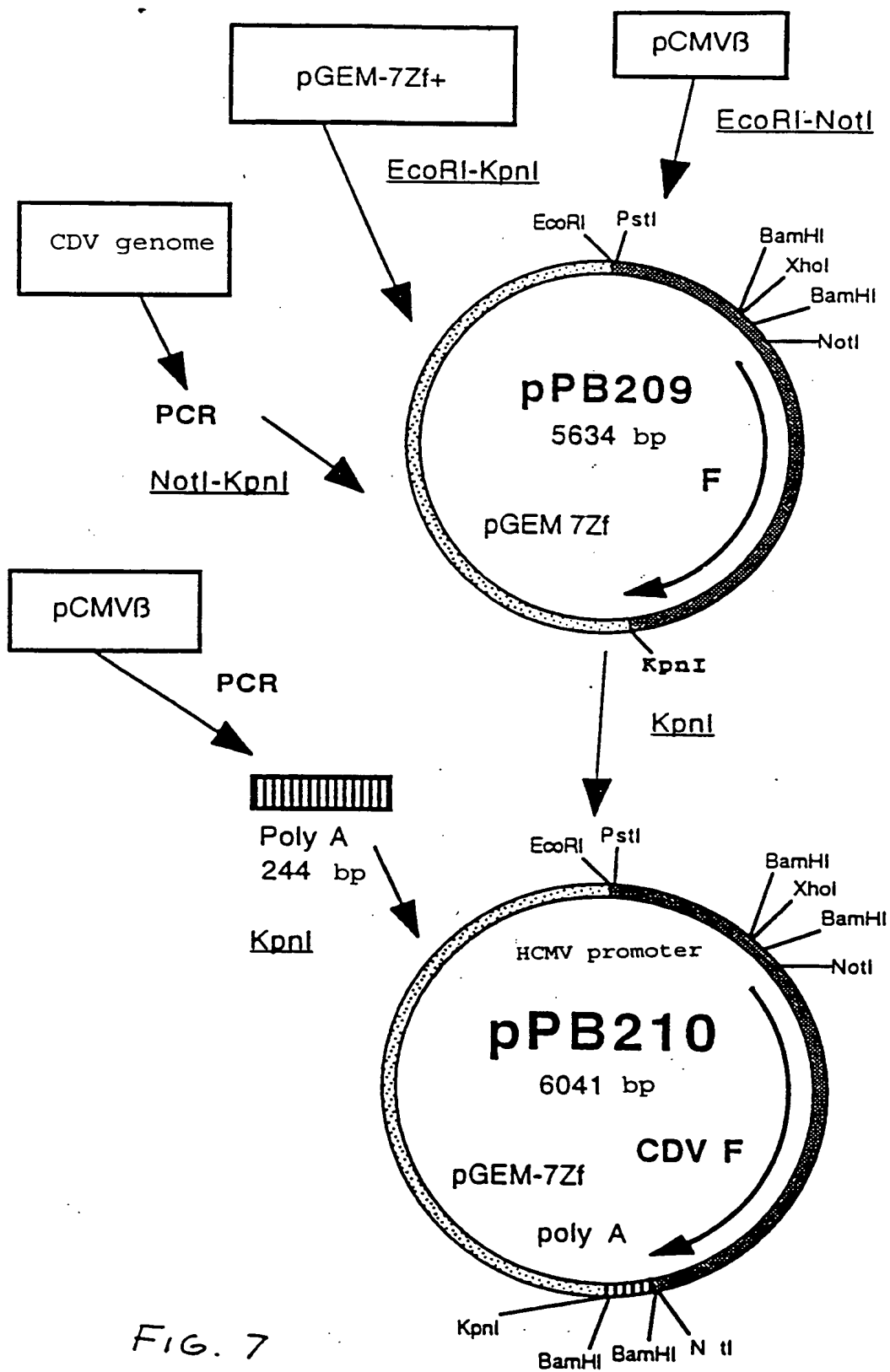


FIG. 7

11/18

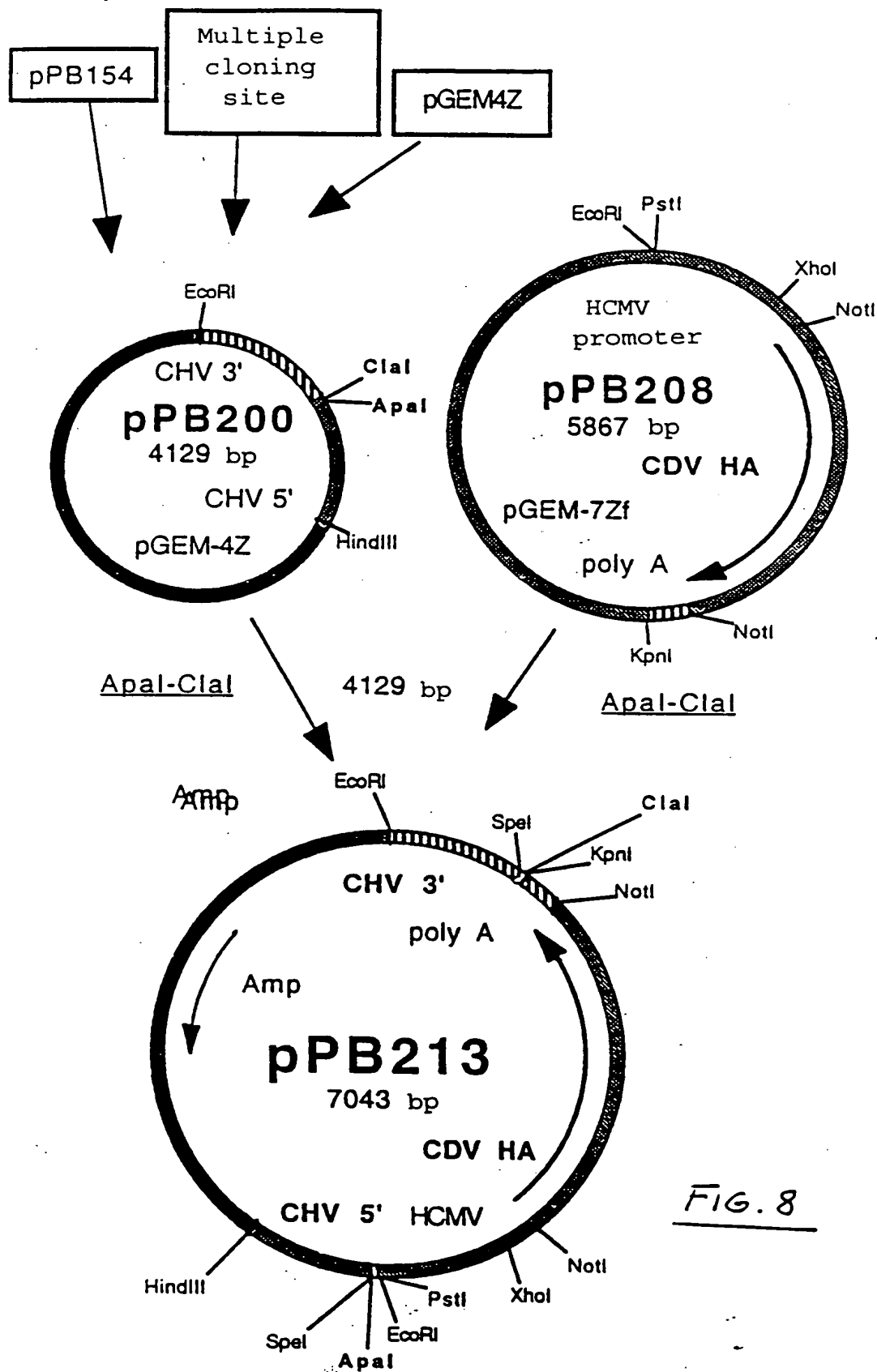
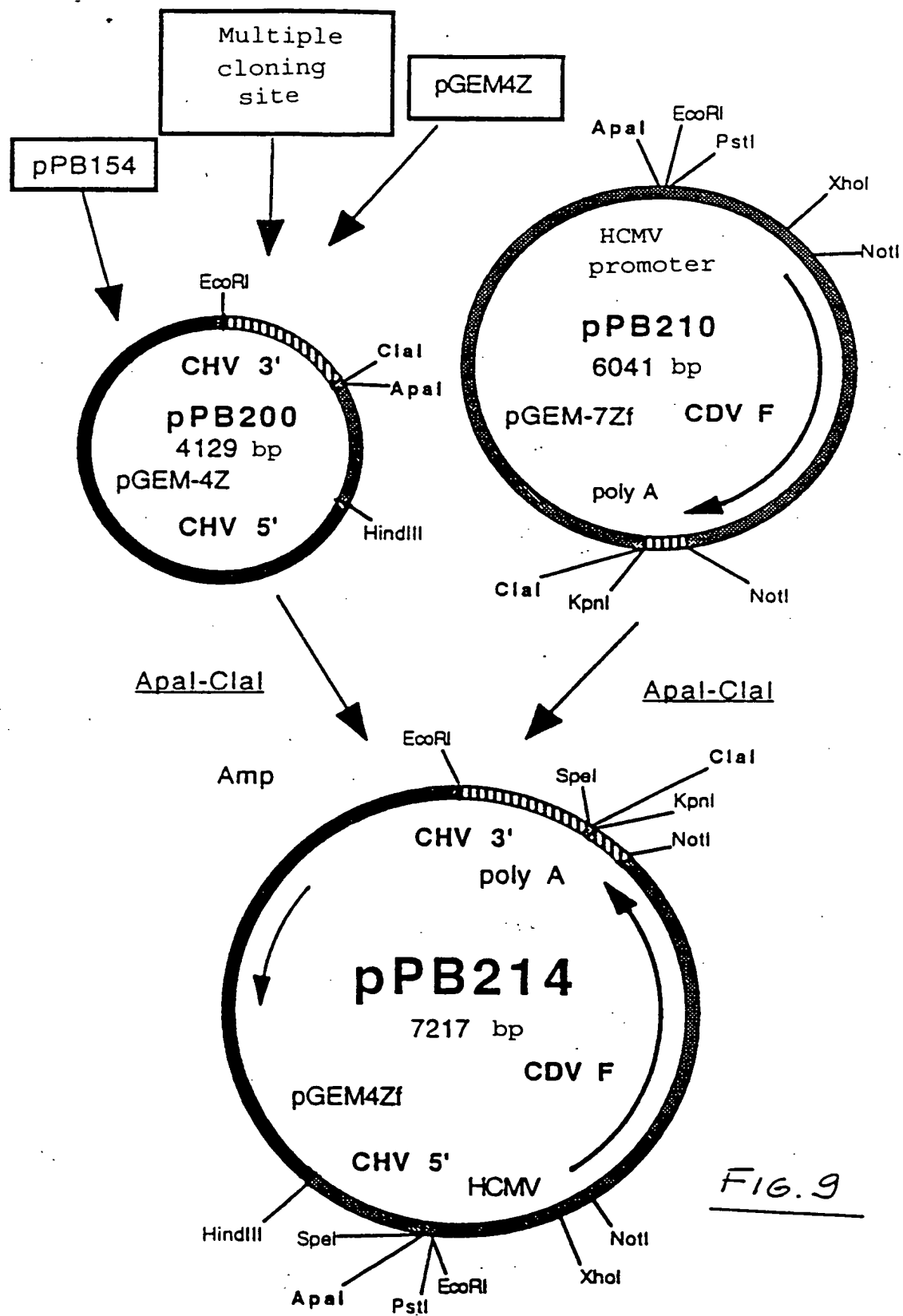


FIG. 8

12/18



13118

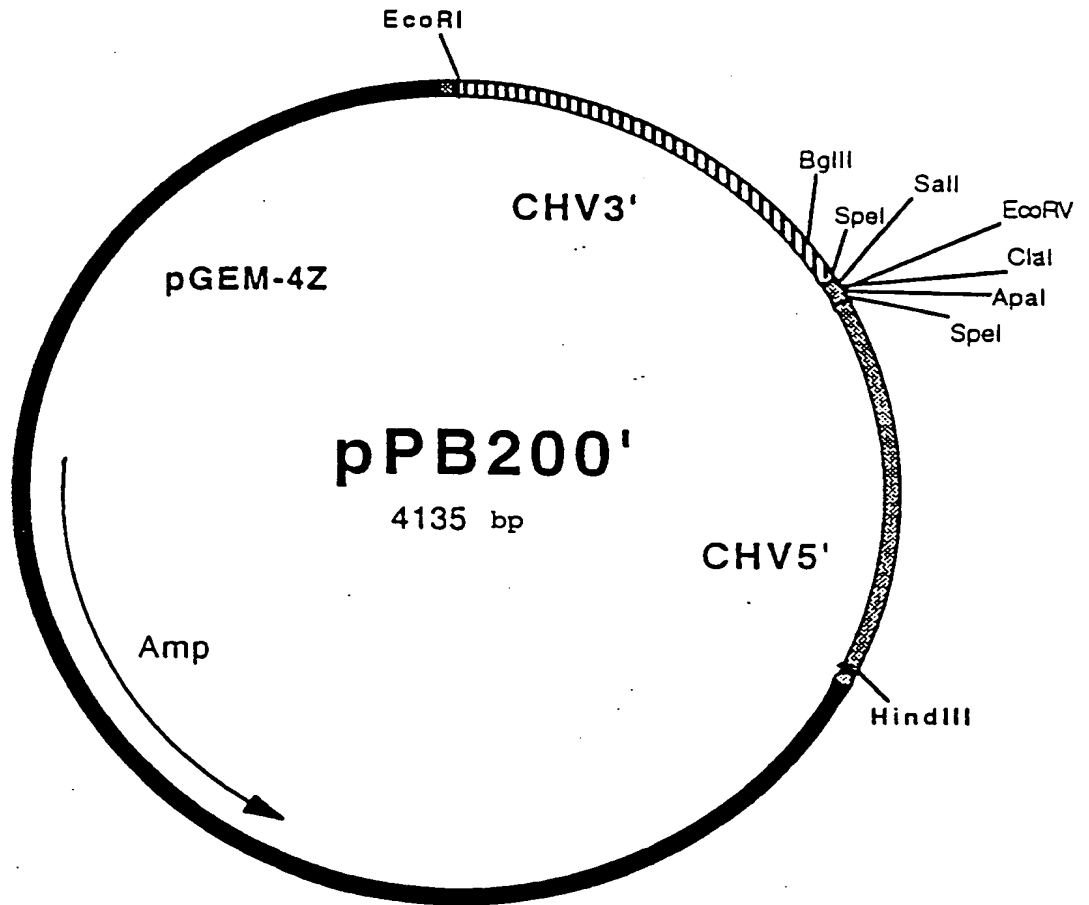


FIG. 10

14 / 18

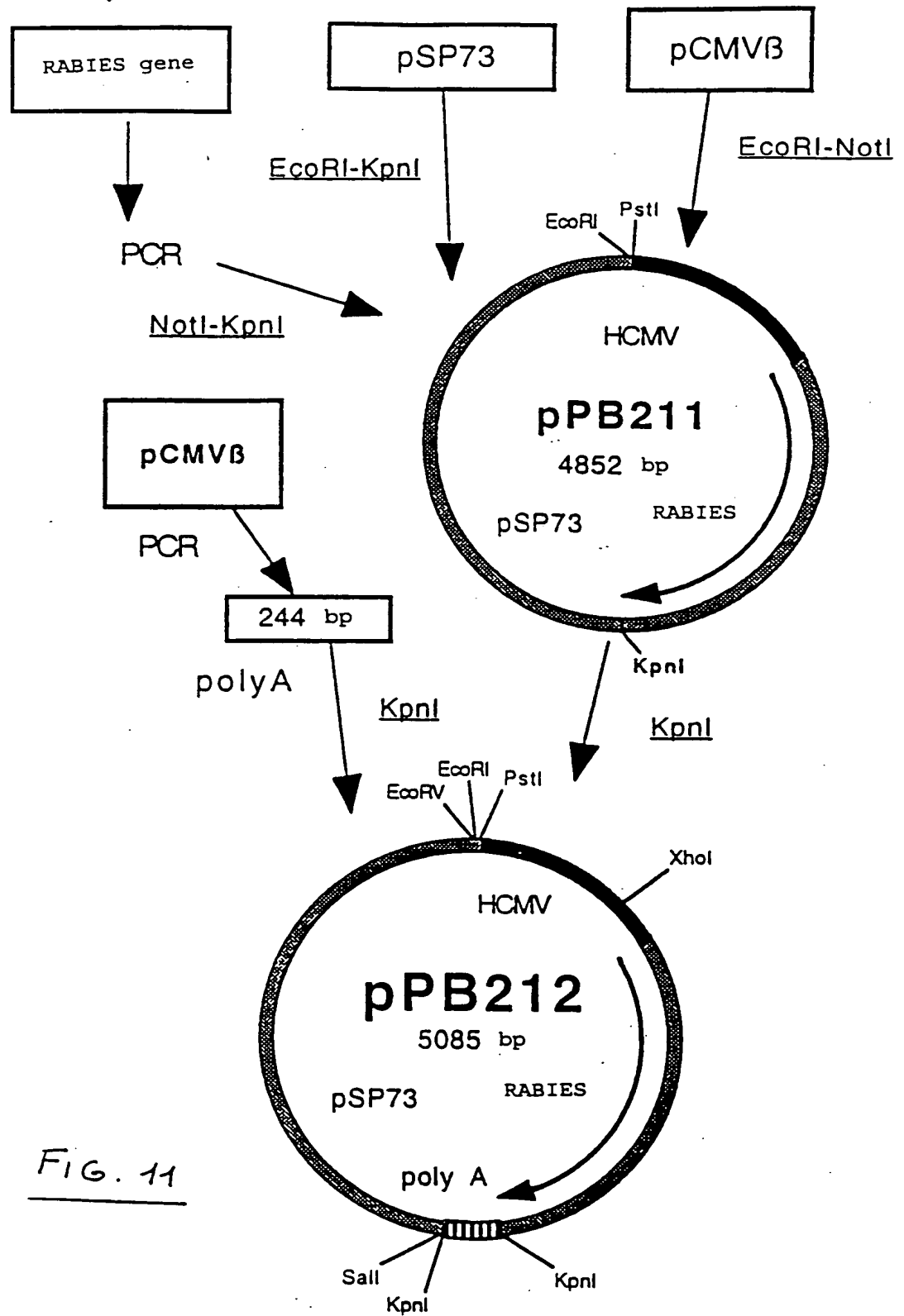


FIG. 11

15/18

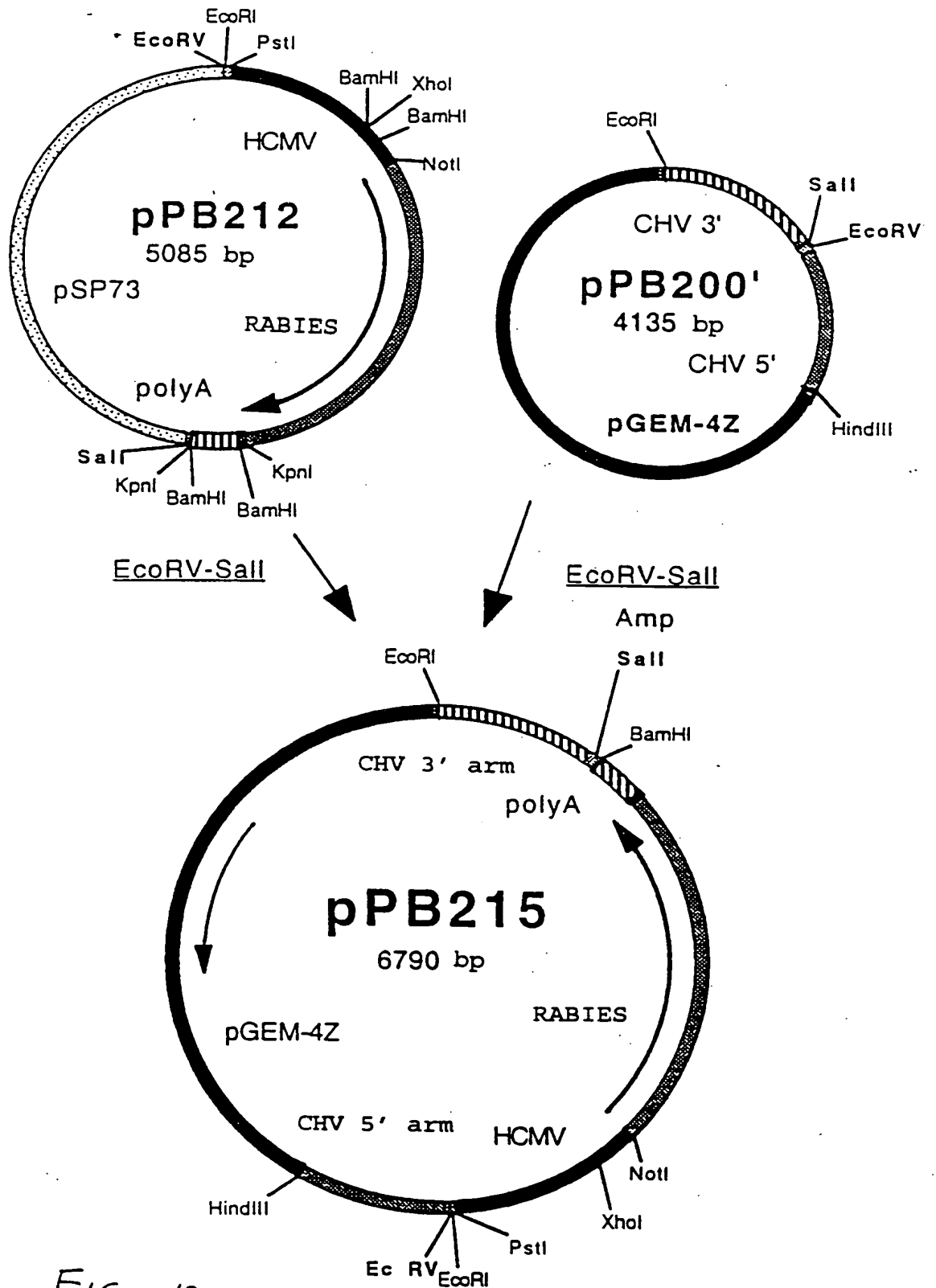


FIG. 12

000000-02490500

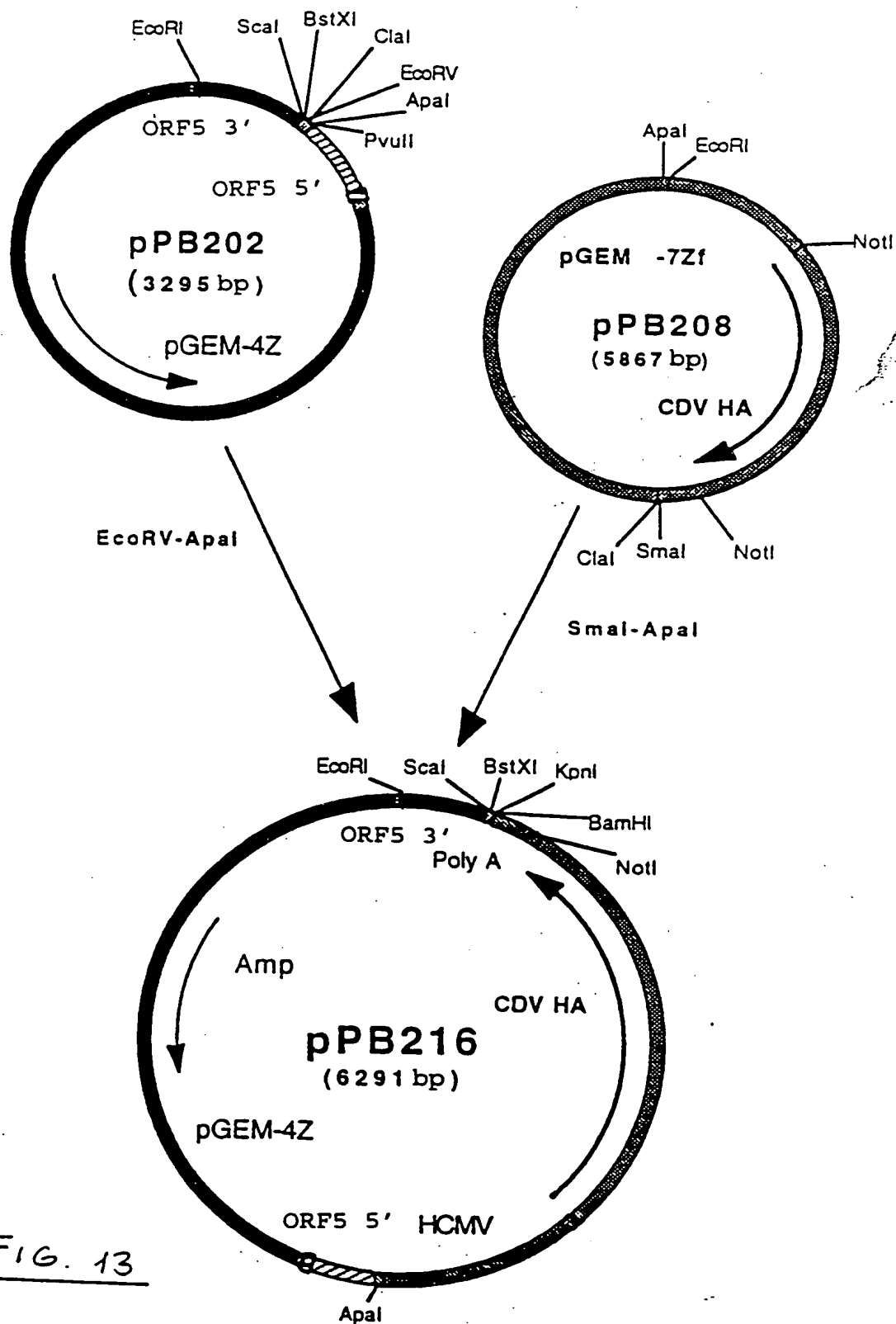


FIG. 13

17/18

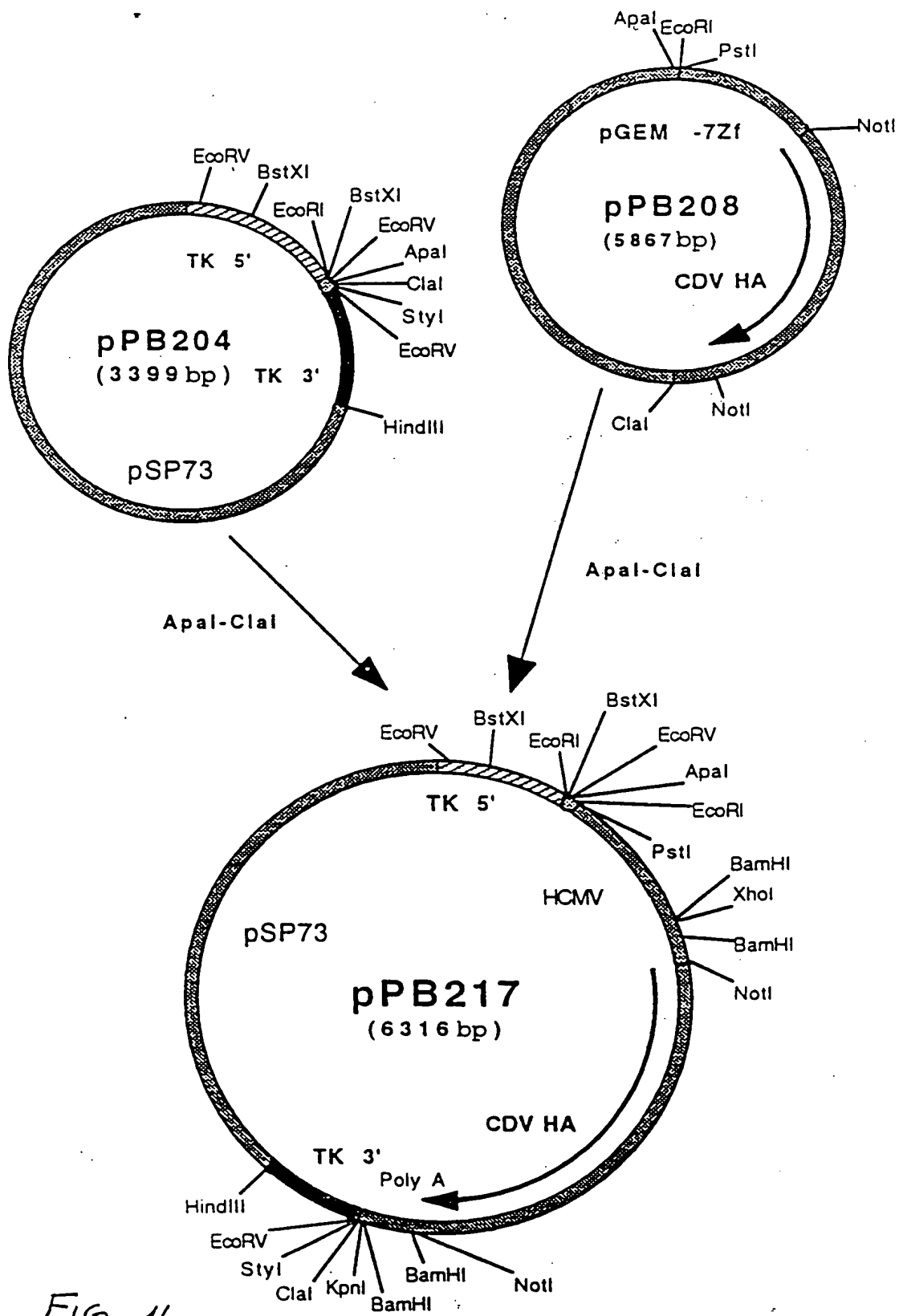


FIG. 14

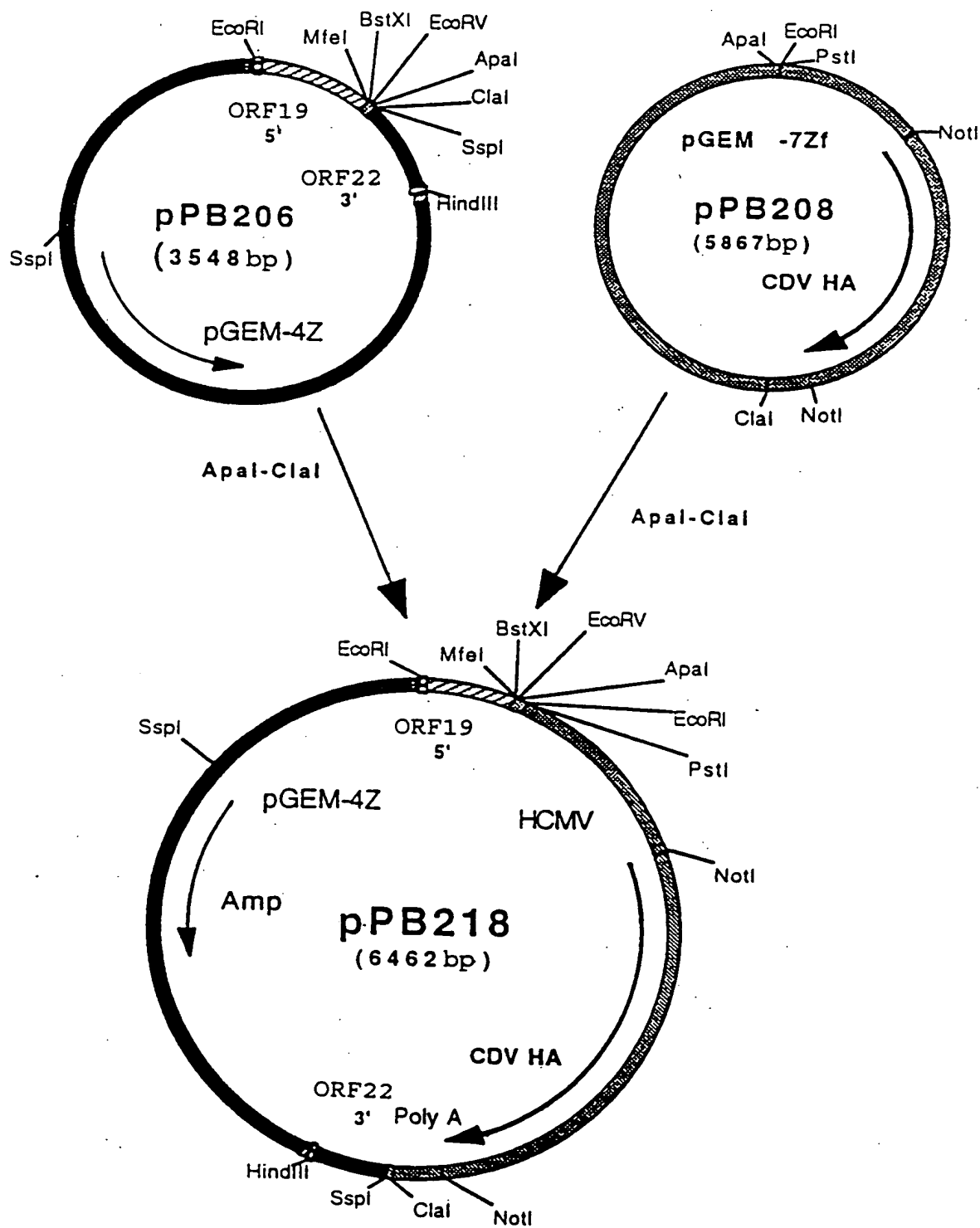


FIG. 15